

Table 1 Probabilities of dependent nucleotide occurrences (based on Takasaki 2009)

Nucleotides\Positions		1'-2	2'-3	3'-4	4'-5	5'-6	6'-7	7'-8	8'-9	9'-10	10'-11
A	A	0.16	0.328	0.2	0.247	0.292	0.229	0.282	0.278	0.204	0.267
	T	0.21	0.208	0.2	0.192	0.23	0.151	0.194	0.181	0.217	0.12
	G	0.35	0.272	0.336	0.341	0.265	0.363	0.311	0.286	0.323	0.356
	C	0.28	0.192	0.264	0.22	0.212	0.257	0.214	0.254	0.257	0.257
G	A	0.33	0.364	0.241	0.314	0.394	0.342	0.316	0.313	0.337	0.271
	T	0.172	0.24	0.215	0.231	0.179	0.171	0.229	0.246	0.267	0.173
	G	0.284	0.169	0.293	0.194	0.206	0.241	0.241	0.218	0.193	0.271
	C	0.213	0.227	0.251	0.26	0.22	0.246	0.213	0.223	0.203	0.285
C	A	0.358	0.371	0.277	0.331	0.329	0.295	0.37	0.33	0.261	0.306
	G	0.116	0.149	0.127	0.171	0.13	0.185	0.137	0.131	0.192	0.131
	C	0.295	0.198	0.318	0.245	0.203	0.243	0.224	0.199	0.271	0.262
	T	0.231	0.282	0.277	0.253	0.338	0.277	0.269	0.34	0.276	0.301
T	A	0.198	0.167	0.172	0.146	0.137	0.144	0.187	0.153	0.134	0.146
	G	0.396	0.353	0.368	0.409	0.368	0.389	0.361	0.246	0.304	0.382
	C	0.25	0.218	0.353	0.268	0.192	0.301	0.284	0.301	0.359	0.216
	T	0.156	0.263	0.108	0.177	0.302	0.167	0.168	0.301	0.203	0.256

Resumption Table 1

Nucleotides\Positions		11'-12	12'-13	13'-14	14'-15	15'-16	16'-17	17'-18	18'-19
A	A	0.274	0.195	0.245	0.264	0.218	0.249	0.3	0.3
	T	0.192	0.229	0.19	0.251	0.196	0.259	0.254	0.235
	G	0.284	0.314	0.329	0.306	0.329	0.275	0.288	0.235
	C	0.25	0.263	0.236	0.179	0.258	0.218	0.154	0.231
G	A	0.358	0.364	0.373	0.33	0.267	0.285	0.37	0.387
	T	0.19	0.228	0.16	0.278	0.151	0.23	0.245	0.236
	G	0.263	0.204	0.274	0.226	0.231	0.238	0.2	0.166
	C	0.19	0.204	0.193	0.165	0.249	0.247	0.185	0.196
C	A	0.305	0.282	0.325	0.331	0.222	0.421	0.352	0.412
	G	0.155	0.169	0.146	0.16	0.107	0.148	0.133	0.108
	C	0.239	0.241	0.214	0.204	0.187	0.167	0.204	0.23
	T	0.3	0.308	0.316	0.304	231	0.263	0.306	0.23
T	A	0.172	0.204	0.181	0.144	0.151	0.188	0.228	0.183
	G	0.294	0.321	0.357	0.262	0.396	0.307	0.325	0.272
	C	0.267	0.281	0.226	0.273	0.236	0.313	0.173	0.263
	T	0.267	0.194	0.236	0.321	0.276	0.193	0.274	0.277

Table 2 Probabilities of independent nucleotide occurrences in 847 ineffective siRNAs (based on Takasaki 2009)

Nucleotides\Positions	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10
A	0.312	0.247	0.211	0.247	0.254	0.231	0.273	0.26	0.235	0.295
G	0.185	0.229	0.256	0.262	0.237	0.259	0.236	0.254	0.286	0.279
C	0.215	0.253	0.296	0.285	0.266	0.321	0.283	0.253	0.298	0.242
T	0.288	0.272	0.236	0.207	0.243	0.189	0.208	0.234	0.182	0.184

Nucleotides\Positions	11	12	13	14	15	16	17	18	19
A	0.251	0.243	0.226	0.235	0.203	0.261	0.262	0.182	0.084
G	0.231	0.257	0.323	0.266	0.293	0.26	0.255	0.301	0.319
C	0.269	0.256	0.247	0.244	0.289	0.269	0.262	0.319	0.426
T	0.248	0.43	0.204	0.255	0.215	0.21	0.221	0.198	0.171

Reference

Takasaki, S. (2009). Selecting effective siRNA target sequences by using Bayes' theorem. Computational Biology and Chemistry 33: 368–372.